



## Figure 1

## Interleukin-20

1														AA	45						
1																				<u>M</u>	1
16	maca.	~~~		ma s	~~~	00						^		<b></b>	~~~						
	TGGA																				
2	D_			Ω.	1/			r		<u>. 11</u>	T		_>_	Τ_	<u> </u>		G	<del>, fr</del> -	. <del></del>	Q	21
			*			*															
106	AGCC	יר בא כז	GAG		ממי	ΔΔα	ממרצ	CAC	~~ A	ccc	CCA	አርር	സേ	ccc	ጥረር	CCC	നസ	ccc	~~~	· ~	165
22																					41
	-		-	-		_				J	v	•		-	0	•	ב	-	-	G	41
166	GCCC	TCA	CCA	GGT	GCC	'ACT	GGA	CCT	GGT	GTC	ACG	GAT	GAA.	ACC	GTA	TGC	CCG	CAT	GGA	GG	225
	P																				
														#							•
	AGTA																				285
62	Y	E	R	N	I	E	E	M	V	Α	Q	L	R	N	s	S	E	L	Α	Q	81
							•			•		*	•				•			•	
	AGAG																				
82	R	K	С	E	V	N	L	Q	L	W	М	S	N	K	R	S	L	S	P	W	101
								CD-	_										_		
346	GGGG	∕ידים	സ	ጉ አጥ	ሮአ አ					•	ייי עייי	~~~	·	CC 3.	com	~~~	~~ ~	~~~		D-II	
	G																				
	•	-	_	=								=	٧	_	_	-	_	7	11	≟	121
			D-I	<del>,</del>						*											
406	GCCT				CTC	יחיביאדי	200	CCC	ىلىنلى بىلىنى	 Cac	ጉ አጥ	വ വ	CC2	CCN	രവ	ርልር	നമന	CCT	מארי.	·	165
122																				V	
					<b>=</b>	•		-	-	-		~	_			5	1.1	٠		٧	141
								_	D-I	TT											
466	TGCC	GGT	הויונים	CAG	CCA	CCT	ጥርር	-			സ്ഥ	~~~~	מיזים		ccc	አርር			מארי	NC	525
	P																				
	_	•	-	_	*	÷				<del></del>		==	_	-	-	-	-		-	0	101
														OD.							
526	GGCC	באניים	നമ്പ	ימיי	രഹ	~~	· ъст	<u> </u>	CCM	- 	ጉአጥ						•	~ v uu	~~~	• ~m	EOE
162	P	C	R	೧	R	ÇGC	NOI V	M	E	Tr	T	۵۵۵	131	ദ	C1G	TT.	C1G	T	CII	*	180
102	•	_		×	10	-	٧	11		-	=		<u> </u>		_			<b>=</b>	F		100
586	GAAT	ጥአር	· ~~~	~~~	C	7 7 C	·	~~~	~~~	•	200	~~~		л m 🗥	ama,	ann.	•	~~m			C 4 E
200	GAAI	IAC	CIG	المال	CAG	AAG	CCA	حص	CMG	CAG	دررر	JAG	ACC	ATC	CIC	CTT	JCA!	CC.I.	I'IG	IG	645
646	CCAA	GAA.	AGG	CCT.	ATG	AAA	· AGT	AAA	CAC	· TGA	ململت	PTC:	AAA	GCA	ΑΑΑ	ΑΑΑ	AAA:	ΑΔΑ	ΔΔΔ	AA	705
												~		2		1			~ ~ ~		, 0,5

## Figure 2

IL20.aa × IL17.aa

1	MDWPHNLLFLLTISIFLGLGQPRSPKSKRKGQGRPGPLAPGPHQVPLD	48
	:  .:. ::  :.   .  ::	
5	KTSLVSLLLLLSLEAIVKAGITIPRNPGCPNSED	38
49	${\tt LVSRMKPYARMEEYERNIEEMVAQLRNSSELAQRKCEVNLQLWMSNKRSL}$	98
39	KNFPRTVMVNLNIHNRNTNTNPKRSSDYYNRST	71
	•	
99	${\tt SPWGYSINHDPSRIPVDLPEARCLCLGCVNPFTMQEDRSMVSVPVFSQVP}$	148
72	SPWNLHRNEDPERYPSVIWEAKCRHLGCINA.DGNVDYHMNSVPIQQEIL	120
	•	
49	VRRRLCPPPPRTGPCRQRAVMETIAVGCTCI 179	
21	VLRREPPHCPNSFRLEKILVSVGCTCV 147	

Figure 3

